

HBV 耐药突变检测报告*

(Pyrosequencing 焦磷酸测序技术)

样品编号: S-4

报告日期: 2008-4-11

检测结果:

检测位点	核苷酸序列		氨基酸序列		突变频率** (%)
	野生型*	检测结果	野生型*	检测结果	
I169T	ATA/T	ATT	I	I	0
V173L	GTG	GTG	V	V	0
L180M	T/CTG	ATG	L	M	100
A181T/V	GCT	GCT	A	A	0
T184G/S/A/C	ACT	ACT	T	T	0
A194T	GCT	GCT	A	A	0
S202G/I	AGT	A/GGT	S	S/G	50.4
M204V/I	ATG	A/GTT	M	V/I	64.5 (V) 35.5 (I)
N236T	AAC	AAC	N	N	0
M250V	ATG	ATG	M	M	0

* 野生型密码子参考 B 和 C 型 HBV 病毒株一致性序列。
** 突变频率指耐药突变型在样本中所占的比例。

*Research use only

检测结论:

- 180 位点 100% 变异;
- 204 位点 100% 变异, 即 YMDD 突变成了 64.5% 的 YVDD 和 35.5% 的 YIDD;
- 202 位点 50.4% 发生变异。

HBV 耐药突变检测报告*

(Pyrosequencing 焦磷酸测序技术)

样品编号: H1016

报告日期: 2008-4-24

检测结果:

检测位点	核苷酸序列		氨基酸序列		突变频率** (%)
	野生型*	检测结果	野生型*	检测结果	
I169T	ATA/T	ATT	I	I	0
V173L	GTG	GTG	V	V	0
L180M	T/CTG	CTG	L	L	0
A181T/V	GCT	G/ACT	A	A/T	81.0
T184G/S/A/C	ACT	ACT	T	T	0
A194T	GCT	GCT	A	A	0
S202G/I	AGT	AGT	S	S	0
M204V/I	ATG	ATG	M	M	0
N236T	AAC	AA/CC	N	N/T	69.6
M250V	ATG	ATG	M	M	0

* 野生型密码子参考 B 和 C 型 HBV 病毒株一致性序列。
** 突变频率指耐药突变型在样本中所占的比例。

*Research use only

检测结论:

1. 181 位点 81% 发生变异;
2. 236 位点 69.6% 发生变异。